

NaBiT シンポジウム

「計算化学から生命へ」

会期：2007年10月5日(金) 13:30~17:00

会場：広島大学サタケメモリアルホール

(参加無料)

プログラム

- 13:30 フラグメント分子軌道法による蛋白質
トリガンドの結合エネルギー計算
(北浦 和夫)
- 14:00 ハイブリッド汎関数によるタンパク質
全電子密度汎関数計算 (佐藤 文俊)
- 14:30 大規模分子シミュレーションによる高
精度スクリーニング (泰地真弘人)
- 15:10 タンパク質折り畳みの分子シミュレ
ーション (岡本 祐幸)
- 15:40 蛋白質トリガンドの結合自由エネ
ルギー計算の精度と信頼性 (藤谷 秀章)
- 16:10 創薬の必須手段になった in silico
screening 技術 (平山 令明)
- 16:40~17:00 総合討論
- 17:15 懇親会 (学士会館1階レストラン)
会費：一般3,000円、学生1,000円

分子・原子のレベルで生体構成成分やそれらの間の相互作用を理解することはスタートラインです。構成分子を量子化学・計算化学のレベルで理解することから、生命の仕組みを理解することを結ぶ道筋と手段は、化学・生物・情報の融合の中にあります。今大会は、その見通しを明確にすることを目的としています。

次代を担う学生や研究者の卵のみならず、今を担っている研究者の方々が、現在の研究、そして将来の夢を楽しく・熱く語り合う場にしたいと考えています。さまざまな分野の方々の参加を期待しています。(実行委員長：相田美砂子)

お問い合わせ先：

〒739-8526 東広島市鏡山1-3-1

広島大学 量子生命科学プロジェクト研究センター
相田美砂子

TEL: (082) 424-7412 FAX: (082) 424-5736

E-mail: qulis@hiroshima-u.ac.jp

「NaBiT シンポジウム」は、「ナノテク・バイオ・IT 融合教育プログラム」(NaBiT プログラム) (文部科学省科学技術振興調整費新興分野人材養成) の一環として開催するものです。NaBiT プログラムの詳細は、<http://www.nabit.hiroshima-u.ac.jp/> を参照してください。